



Organiza:



**Col·legi de
Biòlegs de
Catalunya**

Curso practico HERRAMIENTAS INFORMÁTICAS PARA LA NUEVA GENÓMICA

Del 16 al 27 de Marzo de 2015

INTRODUCCIÓN

El curso de herramientas bioinformáticas para la nueva Genómica tiene como objetivo principal dar una visión actualizada de los sistemas informáticos de utilidad en la investigación biomédica como los microarrays y las tecnologías de secuenciación masiva.

El curso va dirigido a estudiantes, licenciados, graduados, profesionales e investigadores interesados en las nuevas estrategias experimentales y bioinformáticas.

COORDINACIÓN I DIRECCIÓN DEL CURSO

Rosa-Ana de la Chica. Coordinadora de la Comisión de Genética y Reproducción Humana del Colegio de Biólogos de Cataluña

Fechas: 16, 17, 18, 19, 20, 23, 24, 25, 26 i 27 de Marzo del 2015

Horario: 17:30 a 19:30 horas.

PROGRAMA DE CONTENIDOS

16-3-2015- INTRODUCCIÓN Y PRESENTACIÓN DEL CURSO.

Rosa-Ana de la Chica. Coordinadora de la Comisión de Genética y Reproducción Humana del Colegio de Biólogos de Cataluña

CONCEPTOS GENERALES E INTRODUCCIÓN A LA TECNOLOGÍA DEL MICROARRAYS.

Lara Nonell/Eulàlia Puigdecamet. Servicio de Análisis de Microarrays. Servicios Científico-técnicos. IMIM-Hospital del Mar. Barcelona

17-3-2015- PROYECTOS Y BASE DE DATOS DE INTERÉS.

Lara Nonell/Eulàlia Puigdecamet. Servicio de Análisis de Microarrays. Servicios Científico-técnicos. IMIM-Hospital del Mar. Barcelona

18-3-2015- ANÁLISIS Y VISUALIZACIÓN DE DATOS DE MICROARRAYS DE EXPRESIÓN.

Lara Nonell/Eulàlia Puigdecamet. Servicio de Análisis de Microarrays. Servicios Científico-técnicos. IMIM-Hospital del Mar. Barcelona

19-3-2015- ANÁLISIS Y VISUALIZACIÓN DE DATOS DE MICROARRAYS GENÓMICOS.

Lara Nonell/Eulàlia Puigdecamet. Servicio de Análisis de Microarrays. Servicios Científico-técnicos. IMIM-Hospital del Mar. Barcelona

20-3-2015- RESOLUCIÓN DE CASOS PRÁCTICOS.

Lara Nonell/Eulàlia Puigdecamet. Servicio de Análisis de Microarrays. Servicios Científico-técnicos. IMIM-Hospital del Mar. Barcelona

23-3-2015 INTRODUCCIÓN A LA GENÓMICA Y A LAS TECNOLOGÍAS DE SECUENCIACIÓN MASIVA.

Ferran Casals. Servicio de Genómica. Universidad Pompeu Fabra (UPF)

24-3-2015- LA REVOLUCIÓN DE LAS NUEVAS TECNOLOGÍAS DE SECUENCIACIÓN DE ÁCIDOS NUCLEÍCOS. DISEÑO EXPERIMENTAL PARA ESTUDIOS DE LA BASE GENÉTICA DE LAS ENFERMEDADES.

Ferran Casals. Servicio de Genómica. Universidad Pompeu Fabra (UPF)

25-3-2015- ANÁLISIS INFORMÁTICO DE LOS DATOS DE SECUENCIACIÓN MASIVA.

Gabriel Santpere. Instituto de Biología Evolutiva (UPF-CSIC)

26-3-2015.- INTREPRETACIÓN DE RESULTADOS. ANOTACIÓN FUNCIONAL. ANÁLISIS PARA ENFERMEDADES RARAS Y COMPLEJAS.

Ferran Casals. Servicio de Genómica. Universidad Pompeu Fabra (UPF)

27-3-2015.- APLICACIÓN DE TECNOLOGÍAS DE SECUENCIACIÓN MASIVA DE NUEVA GENERACIÓN PARA EL ESTUDIO DE ENFERMEDADES HUMANAS.

Benjamin Rodriguez Santiago . Quantitative Genomic Medicine Laboratories, S.L. PRBB building. Barcelona

REQUISITOS

Disponer de un ordenador portátil y de un usuario en este con privilegios de administrador. Posibilidad de conexión con wifi.

Aunque no hace falta un conocimiento previo de las herramientas tecnológicas que se trabajarán en el curso, es necesario tener una competencia informática básica para que el uso de un ordenador no suponga una dificultad para alcanzar los contenidos del curso.

Duración: 20 horas.

PRECIO:

Colegiados y pre-colegiados.....	220 €
Asociados a AEDP, a AEGC e Intercolegial.....	240 €
Otros.....	280 €

MATRICULA DEL CURSO Y LUGAR DE REALIZACIÓN

Colegio de Biólogos de Cataluña. C/ Consell de Cent 373 1r. 1a.- 08009 Barcelona.
Tels: 93 487 61 59 Fax: 93 487 61 96 Correo electrónico: cbc@cbc.cat

Finalizado el curso se expedirá diploma a los alumnos con un 80% o más de asistencia.

Se ha solicitado la acreditación de este curso al “Consell Català de Formació Continuada de les Professions Sanitàries” para los alumnos que asistan, como mínimo, al 80% de las horas programadas.